

分類 IT 系	種別 バイオ系	著者(論文順) 太字が研究員もしくは客員 研究員	論文名	雑誌名・会議名	巻・号・ ページ	年月
○	論文誌	<u>Yu Hirate and Hayato Yamana</u>	Generalized Sequential Pattern Mining with Item Intervals	<i>Journal of Computers(JCP)</i>	Issue 3, pp. 51-60	2006.04
○ ○	年次大会	山田晃太郎, 山田真介 , 山名早人, 野口保	タンパク質立体構造に基づく保存領域の自動抽出	第6回日本蛋白質科学会年会	2P-077	2006.04
○	シンポジウム	青木仁志, 中田秀基, 田中康司 , 松岡聰	大規模グリッド環境におけるJojo2の稼働実験	先進的計算基盤システムシンポジウム		2006.05
○	シンポジウム	青木仁志, 中田秀基, 田中康司 , 松岡聰	動的なノード群構成機構を備えた階層型グリッド環境: Jojo2	先進的計算基盤システムシンポジウム		2006.05
○ ○	ワークショップ	滝沢雅俊, 山名早人 , 野口保	FORTE1を利用したドメイン予測法	早稲田大学大学院理工学研究科情報・ネットワーク専攻 次世代コンピューティングシステムに関する合同ワークショップ		2006.07
○	論文誌	田代崇, 上田高徳, 堀泰祐, 平手勇宇 , 山名早人	Web上の文章を対象とした著作権違反自動検知システム	日本データベース学会Letters	Vol.5, No.2, pp.25-	2006.09
○ ○	研究会	滝沢雅俊, 山名早人 , 野口保	配列プロファイルを利用したドメインリanker予測	情報研報(BIO)	Vol.2006 6, No.99, pp.41-47	2006.09
○ ○	シンポジウム	滝沢雅俊, 山田真介 , 山名早人, 野口保	配列プロファイルを利用したドメインリanker予測	CBRC2006 生命情報科学研究センター 2006年度 研究報告シンポジウム	D6	2006.09
○ ○	シンポジウム	山田真介 , 後藤修, 山名早人	PRIME:区分的線形ギャップコストを用いたマルチブルアラインメントプログラム	CBRC2006 生命情報科学研究センター 2006年度 研究報告シンポジウム	D7	2006.09
○	研究会	平手勇宇 , 山名早人	学内ドメインに存在する著作権違反ページ抽出の可能性	平成18年度情報教育研究集会論文集	pp.876-879	2006.11
○ ○	論文誌	<u>S. Yamada, O. Gotoh, H. Yamana</u>	Improvement in accuracy of multiple sequence alignment using novel group-to-group sequence alignment algorithm with piecewise linear gap cost	<i>BMC Bioinformatics</i>	7(524)	2006.12
○	研究会	馬越健治, 糸谷勇児, 山名早人	二段階の類似画像検索を用いた変形画像検出手法	<i>DEWS2007</i>	L1-3	2007.02
○	研究会	平手勇宇 , 吉田泰明, 山名早人	Web検索エンジンのランキングバイアスに関する研究動向	<i>DEWS2007</i>	C7-7	2007.02
○ ○	国際会議	<u>S. Yamada, K. Yamada, H. Yamana, T. Noguchi</u>	Automatic extraction of conserved region from alignment based on protein structure	<i>EABS & BSJ 2006</i>	1P474	2006.11
○ ○	国際会議	<u>M. Takizawa, N. Inoue, K. Tomii, H. Yamana, T. Noguchi</u>	Prediction of domain and disordered regions in proteins by fold recognition and secondary structure prediction	<i>CASP7</i>		2006.11
○ ○	研究会	矢野純一, 長繩美香, 柳澤政生 , 木村裕一	平面交差法を用いたPET神経受容体画像化における動脈採血省略～特異値によるボクセル選択とクラスタリングによる血液波形推定の改善～	電子情報通信学会医用画像研究会		2006.11
○	国際会議	<u>Yu Hirate and Hayato Yamana</u>	Web Structure in 2005	<i>Proc. of the 4 th Workshop on Algorithms and Models for the Web-Graph(WAW2006)</i>	LNCS 4936, pp.36-	2006.12
○	研究会	奈良竜太, 小原俊逸, 清水一範, 戸川望, 池永剛, 柳澤政生 , 後藤敏, 大附辰夫	精円曲線暗号向けGF(2m)上のDigit-Serial乗算器の設計	電子情報通信学会VLSI設計技術研究会		2007.01
○ ○	国際会議	<u>K. Tanaka, Y. Akivama, H. Yamana</u>	Development and Improvement of a Prototype System for the Inference of Genetic Networks Based on Genetic Programming	<i>The Fifth Asia Pacific Bioinformatics Conference (APBC2007)</i>		2007.01