

分類 IT 系 バイ オ系	種別	著者(論文順) 太字が研究員もしくは客員 研究員	論文名	雑誌名・会議名	巻・号・ ページ	年月
○	年次 大会	瀧本崇博、服部麻木、鈴木 薫之、林部充宏、大竹義 人、小林進、 柳澤政生 、内 山明彦	volume data を扱うことのできる手術シ ミュレーションシステムの開発 - 肝臓モ デルにおける切開・切離、摘出機能の実 現	第44回日本生体医工学会大 会		2005 .04
○ ○	年次 大会	細田順一、上村幸司、小畠 隆行、生駒洋子、鎌田正、 神立進、溝江純悦、辻井博 彦、 柳澤政生 、内山明彦	自己組織化マップを用いた複数MRI画像 からの腫瘍自動抽出	第44回日本生体医工学会大 会		2005 .04
○ ○	年次 大会	矢野純一、木村裕一、 柳澤 政生 、内山明彦	クラスタリングを用いたPET神経受容体 画像の画質改善	第44回日本生体医工学会大 会		2005 .04
○ ○	セミ ナー	柳澤政生	遺伝統計学的ゲノム解析アルゴリズムとそ の高速化	産総研 生命情報科学人材養 成コース 生命情報科学特別講 義		2005 .06
○ ○	論文 誌	平手勇宇 、岩橋永悟、 山名 早人	TF^2P-growth: 閾値設定を必要としない頻 出アイテムセット抽出アルゴリズム	情報処理学会論文誌: データ ベース	Vol.46, No.SIG S(TOD)	2005 .06
○	年次 大会	細田順一、上村幸司、小畠 隆行、生駒洋子、安藤裕、 鎌田正、神立進、溝江純 悦、辻井博彦、 柳澤政生 、 内山明彦	自己組織化マップを用いた複数MRI画像 からの腫瘍自動抽出法の開発	第24回日本医用画像工学会 大会		2005 .07
○	研究 会	平手勇宇 、小松俊介、 山 名早人	イベント発生間隔を考慮したシーケンシャ ルパターンマイニング	情報研報(DBS)	Vol.200 5, No.68.p	2005 .07
○ ○	セミ ナー	田中康司	遺伝子ネットワーク推定のための並列GPシ ステムの開発	産総研 生命情報科学人材養 成コース 生命システムセミナー		2005 .09
○ ○	シンポ ジウム	山田真介 、後藤修、 山名 早人	区分的線形ギャップコストを用いたマルチ ブルアライメントアルゴリズムの開発	「産総研 生命情報科学人材 養成コース」最終シンポジウム	022	2005 .09
○ ○	シンポ ジウム	滝沢雅俊、 山名早人 、 野 口保	FORTE1を利用したドメイン予測法の開発	「産総研 生命情報科学人材 養成コース」最終シンポジウム	038	2005 .09
○ ○	シンポ ジウム	山田晃太郎、 山名早人 、 野口保	三次元情報を利用した保存領域の自動決 定	「産総研 生命情報科学人材 養成コース」最終シンポジウム	040	2005 .09
○	年次 大会	中井真琴、吉澤周、藤田明 宏、武田朴、築島謙次、内 山明彦、 柳澤政生	振動を用いた瞼の上から測定可能な無侵 襲眼圧計の開発	第41回日本眼光学学会 第20 回眼科ME学会 合同学会総会		2005 .09
○ ○	シンポ ジウム	田中康司	進化的計算手法を用いた遺伝子ネットワー ク推定システムの設計・開発	「産総研 生命情報科学人材 養成コース」最終シンポジウム		2005 .09
○ ○	国際 会議	Shinsuke Yamada and Osamu Gotoh	PRIME - an implementation of a doubly nested randomized iterative refinement strategy with the piecewise linear gap cost	CBRC2005	No.2	2005 .10
○	国際 会議	Yu Hirate and Hayato Yamana	Sequential Pattern Mining with Time Interval	Proc. of PAKDD2006		2005 .11
○ ○	国際 会議	M. Nakai, I. Yoshizawa, A. Fujita, S. Takeda, K. Yanagisawa, A. Uchiyama, M. Yanagisawa	Noninvasive Tonometry of Intraocular Pressure over a Closed Eyelid	the 12th International Conference on Biomedical Engineering		2005 .12
○ ○	書籍	Osamu Gotoh, Shinsuke Yamada and Tetsushi Yada	Multiple sequence alignment	<i>n handbook of computational molecular biology, Computer and Information Science Series. Edited by Aluru, S., Chapman & Hall/CRC Press</i>		2005 .12
○ ○	国際 会議	K. Tanaka, Y. Akiyama, H. Yamana	Development of a Prototype System for the Inference of Genetic Networks Based on Genetic Programming	The Fourth Asia Pacific Bioinformatics Conference (APBC2006)		2006 .02
○	研究 会	平手勇宇 、 山名早人	時間情報を含むシーケンシャルパターンマ イニングの一般化	DEWS2006		2006 .03